



広島大学



大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター

ど

て

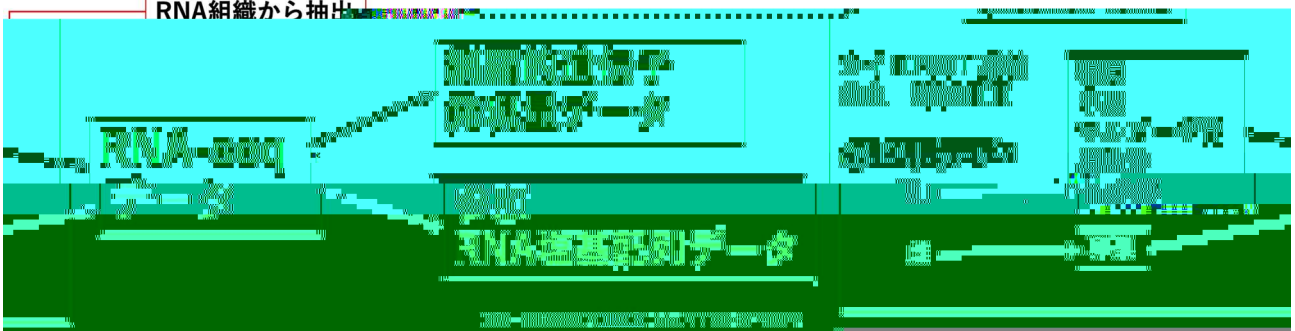
な			て	ど	て	ど
ど		ど	う		う	
	な		ど		やて	
ど	て			お		

--

۴۶

۴۶

RNA組織から抽出



遺伝子の機能に関するデータは少ない



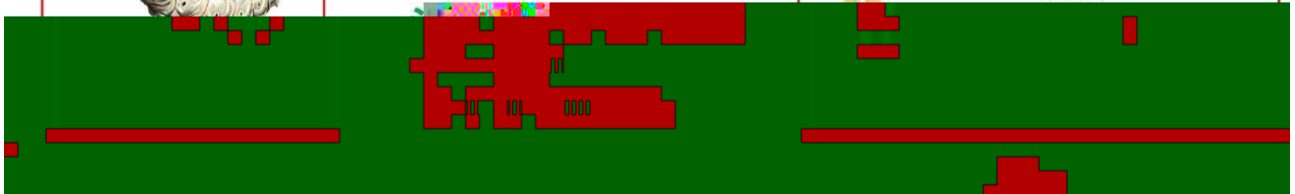
遺伝子の対応づけ



ヒトや



遺伝子の機能に膨大なデータが紐づいている



本研究結果

遺伝子機能予測データ

網羅的遺伝子発現データ

遺伝子A

遺伝子C

遺伝子B

遺伝子D

有用タンパク質(動物やヒト用の医薬品原薬)
を高効率に産生するカイコの作出