



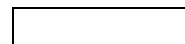
ゲノムの動きをシミュレーションする新手法
—Hi-C データ解析パイプライン「PHi-C 法」の開発—



※共同研究グループ

研究支援

1. 背景



2. 研究手法と成果



理化学研究所



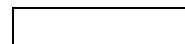
広島大学



理化学研究所



広島大学

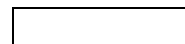




理化学研究所



広島大学





4. 論文情報

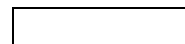
5. 補足説明

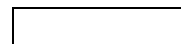


理化学研究所



広島大学





6. 発表者・機関窓口

