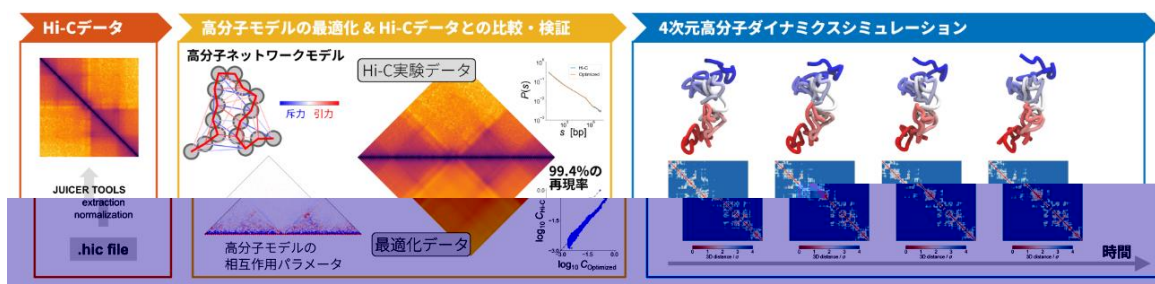
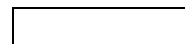


ゲノムの動きをシミュレーションする新手法 —Hi-C データ解析パイプライン「PHi-C 法」の開発—

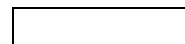




※共同研究グループ

研究支援

1. 背景



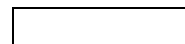
2. 研究手法と成果

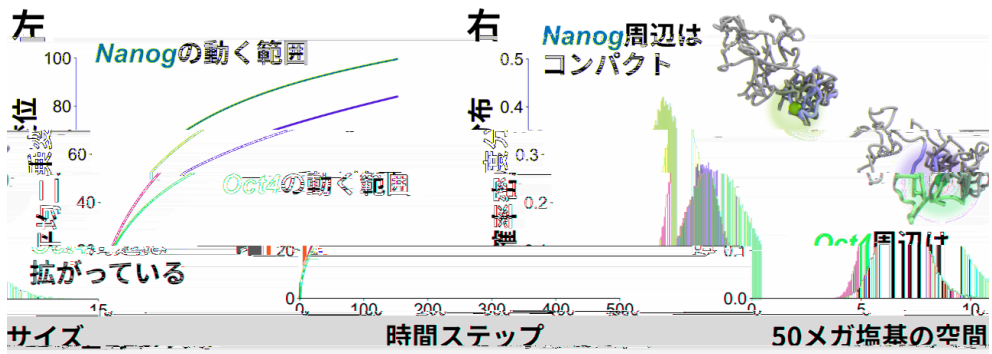
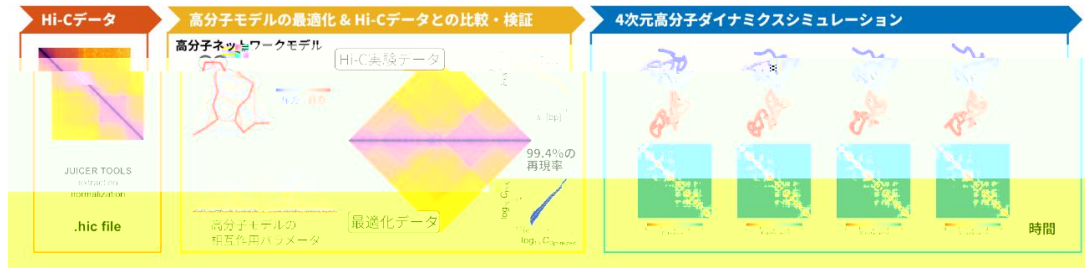


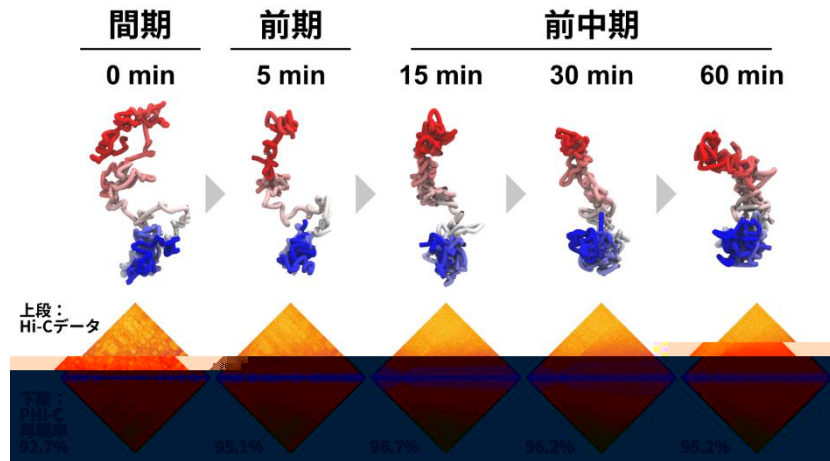
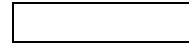
理化学研究所



広島大学







3. 今後の期待



4. 論文情報

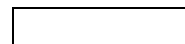
5. 補足説明

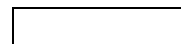


理化学研究所



広島大学





6. 発表者・機関窓口

